



112408-122.ST25

SEQUENCE LISTING

<110> CARR, Francis Joseph  
CARTER, Graham  
HAMILTON, Anita Anne  
ADAIR, Fiona Suzanne  
WILLIAMS, Stephen

<120> METHODS FOR PROTEIN SCREENING

<130> 112408-122

<140> US 09/518,813

<141> 2000-03-03

<150> PCT/GB98/02649

<151> 1998-09-03

<150> US 60/070,063

<151> 1997-12-30

<150> US 60/070,062

<151> 1997-12-30

<150> US 60/070,037

<151> 1997-12-30

<150> US 60/070,050

<151> 1997-12-30

<150> GB 9718552.4

<151> 1997-09-03

<150> GB 9719834.5

<151> 1997-09-18

<150> GB 9720184.2

<151> 1997-09-14

<150> GB 9720522.3

<151> 1997-09-29

<150> GB 9720523.1

<151> 1997-09-29

<150> GB 9801255.2

<151> 1998-01-22

<150> GB 9803828.4

<151> 1998-02-25

<150> GB 9720524.9

<151> 1997-09-29

<150> GB 9807760.5

<151> 1998-04-14

<150> GB 9811130.5

<151> 1998-05-23

<150> GB 970525.6

<151> 1997-09-29

<160> 64

<170> PatentIn version 3.0

<210> 1

<211> 13

<212> DNA

<213> Kozak translation initiation sequence consensus

<400> 1

gccgccacca tgg

13

<210> 2

<211> 66

<212> DNA

<213> linker sequence between HindIII and Eco RI sites

<400> 2

agcttggccc agccggccat ggcccaggtc caactgcagg agctcgagat caaacgggcg

60

gccgcg

66

<210> 3

<211> 66

<212> DNA

<213> linker sequence between HindIII and Eco RI sites

<400> 3

aattcgcggc cgcccgtttg atctcgagct cctgcagttg gacctgggccc atggccggct

60

gggcca

66

<210> 4

<211> 14

<212> PRT

<213> amino acid linker sequence

<400> 4

Glu Gly Lys Ser Ser Gly Ser Gly Ser Glu Ser Lys Val Asp

1

5

10

<210> 5

<211> 28

<212> DNA  
 <213> primer sequence  
 <400> 5  
 cagctgcagg agtctggggg aggcttag 28

<210> 6  
 <211> 36  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence  
 <400> 6  
 tcagtagacg gtgaccgagg ttcccttgacc ccagta 36

EP  
 <210> 7  
 <211> 26  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence  
 <400> 7  
 gtgacattga gtcacacag tctcct 26

<210> 8  
 <211> 28  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence  
 <400> 8  
 cagcccgttt tatctcgagc ttggtccg 28

<210> 9  
 <211> 47  
 <212> DNA  
 <213> RD 5' HIS primer sequence  
 <400> 9  
 gcggatccca tatgcaccat catcaccatc accaggtgca gctgcag 47

<210> 10  
 <211> 30  
 <212> DNA  
 <213> synthetic oligonucleotide  
 <400> 10  
 agaatacagg gtccaaatag aatccagggt 30

<210> 11  
 <211> 50  
 <212> DNA  
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 11  
 ctacctataa aaataggcgt atcacgaggc cctttcgtct tcaataattc 50

<210> 12  
 <211> 54  
 <212> DNA  
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 12  
 agcgaattca ccttgattc tatttgacc ctgtattcta cctataaaaa tagg 54

<210> 13  
 <211> 61  
 <212> DNA  
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 13  
 ggtttcctc tagaatacag ggtccaaata gaatccaggg taagaaggag atatacatat 60

g 61

<210> 14  
 <211> 67  
 <212> DNA  
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 14  
 atatatatgt cgacgaaatt aatacgactc actataggga gaccacaacg gtttcctct 60

agaatac 67

<210> 15  
 <211> 50  
 <212> DNA  
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 15  
 atatatatgt cgacgaaatt aatacgactc actataggga gaccacaacg 50

<210> 16  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> forward primer sequence fdig1  
 <400> 16  
 ccgtatagat ctcagggtcaa actgcaggag tct 33

<210> 17  
 <211> 66  
 <212> DNA  
 <213> reverse primer sequence rdig1

<400> 17  
 ccgtatagat ctcagggtcaa actgcaggag tctccgtatg gatccccggt ttatttccaa 60  
 ctttgt 66

<210> 18  
 <211> 30  
 <212> DNA  
 <213> forward primer sequence fox1

<400> 18  
 ccgtatagag atgtcgtgat gacccaaact 30

E/ <210> 19  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> reverse primer sequence rox1

<400> 19  
 ccgtatggat cctgaggaga cggtgactga ggt 33

<210> 20  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence m13f1

<400> 20  
 ccgtatagat ctggcttttaa tgaggatcca ttc 33

<210> 21  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence m13rl

<400> 21  
 ccgtatctcg agctgtagcg cgttttcatc ggc 33

<210> 22  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence m13f2

<400> 22  
 ccgtatgtcg acggcttttaa tgaggatcca ttc 33

<210> 23  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence ml3r2

<400> 23  
 ccgtattgat cactgtagcg cgttttcatc ggc 33

<210> 24  
 <211> 90  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence fdig2

<400> 24  
 ccgtatagat ctatgggatg gagctgtatc atcctcttct tggtagcaac agctacaggt 60  
 gtccactccc aggtcaaact gcaggagtct 90

<210> 25  
 <211> 90  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence fox2

<400> 25  
 ccgtatagat ctatgggatg gagctgtatc atcctcttct tggtagcaac agctacaggt 60  
 gtccactccg atgtcgtgat gacccaaact 90

<210> 26  
 <211> 21  
 <212> DNA  
 <213> oligonucleotide TAR1

<400> 26  
 gatcagccag atttgagcag c 21

<210> 27  
 <211> 21  
 <212> DNA  
 <213> oligonucleotide TAR2

<400> 27  
 gatcgctgct caaatctggc t 21

<210> 28  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence il5f1

<400> 28  
 ccgtatagat ctgaaattcc cactagtgca ttg 33

<210> 29  
 <211> 72  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence il5r1  
  
 <400> 29  
 ccgtatggat ccgacgtcct caagcttga atattatcag tgatggatgat ggtgatgact 60  
 ttctattatc ca 72  
  
 <210> 30  
 <211> 39  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence il5f2  
  
 <400> 30  
 ccgtatagat ctaagcttga aattcccact agtgcattg 39  
  
 <210> 31  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence il5r2  
  
 <400> 31  
 ccgtatggat ccactttcta ttatccactc ggt 33  
  
 <210> 32  
 <211> 27  
 <212> DNA  
 <213> biotinylated oligonucleotide  
  
 <400> 32  
 ttgaagctct ttgtgacggg cgaactc 27  
  
 <210> 33  
 <211> 17  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence HuCK FOR  
  
 <400> 33  
 aggcagttcc agatttc 17  
  
 <210> 34  
 <211> 18  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence scAB  
  
 <400> 34  
 gtgagctcga tgtcatcc 18  
  
 <210> 35  
 <211> 90

<212> DNA  
 <213> primer sequence TATfor  
  
 <400> 35  
 ccgtatctcg agatgggatg gagctgtatc atcctcttct tggtagcaac agctacaggt 60  
 gtccactccg aaccagtcga ccctagactg 90  
  
 <210> 36  
 <211> 21  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence TATrev  
  
 <400> 36  
 gaattcggat ccttactatt c 21  
  
 <210> 37  
 <211> 28  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence 340Vhfor  
  
 E/ <400> 37  
 cagctgcagg agtctggggg aggcttag 28  
  
 <210> 38  
 <211> 36  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence 340Vhbck  
  
 <400> 38  
 tcagtagacg gtgaccgagg ttccttgacc ccagta 36  
  
 <210> 39  
 <211> 26  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence 340Vkfor  
  
 <400> 39  
 gtgacattga gctcacacag tctcct 26  
  
 <210> 40  
 <211> 27  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence 340Vkbck  
  
 <400> 40  
 cagcccgttt tatctcgagc ttggtcc 27  
  
 <210> 41  
 <211> 39  
 <212> DNA



<213> primer sequence 340 scFvfor

<400> 41  
ccgtatagat ctatggaagt gcagctgcag gagtctggg 39

<210> 42

<211> 33

<212> DNA

<213> primer sequence 340scFvrev

<400> 42  
ccgtatggat cctgcagcca cagtccgttt gat 33

<210> 43

<211> 33

<212> DNA

<213> forward primer sequence fox1

<400> 43  
ccgtatagat ctgatgtcgt gatgacccaa act 33

e/ <210> 44

<211> 33

<212> DNA

<213> reverse primer sequence rox1

<400> 44  
ccgtatggat cctgaggaga cggtgactga ggt 33

<210> 45

<211> 32

<212> DNA

<213> forward primer sequence pCANTAB5

<400> 45  
ccgtatggat ccgcggccca gccggccatg gc 32

<210> 46

<211> 33

<212> DNA

<213> reverse primer sequence pCANTAB5

<400> 46  
ccgtatggat cccccgtgat ggtgatgatg atg 33

<210> 47

<211> 33

<212> DNA

<213> primer sequence il5f1

<400> 47

ccgtatagat ctgaaattcc cactagtgcgca ttg 33

<210> 48  
 <211> 66  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence il5r1

<400> 48  
 ccgtatggat ccgacgtcct caagcttgga atattatcac ccgggacttt ctattatcca 60  
 ctcggt 66

<210> 49  
 <211> 66  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence il5r2

<400> 49  
 ccgtatggat ccgacgtcct caagcttgga ataccggggc catggacttt ctattatcca 60  
 ctcggt 66

E1 <210> 50  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> forward primer sequence fdigl

<400> 50  
 ccgtatagat ctcaggtcaa actgcaggag tct 33

<210> 51  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> reverse primer sequence rdigl

<400> 51  
 ccgtatggat ccccgtttta tttccaactt tgt 33

<210> 52  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence PL1for

<400> 52  
 ccgtatccat ggggatggaa agattgatgg aac 33

<210> 53  
 <211> 33  
 <212> DNA  
 <213> primer sequence PL1bck

<400> 53  
ccgtatcccg gggatacatc gtgtaagaat cta 33

<210> 54  
<211> 33  
<212> DNA  
<213> primer sequence PL2for1

<400> 54  
ccgtatcccg ggtaatgata catcagttgg aaa 33

<210> 55  
<211> 33  
<212> DNA  
<213> primer sequence PL2for2

<400> 55  
ccgtatagat cttaatgata catcagttgg aaa 33

<210> 56  
<211> 31  
<212> DNA  
<213> primer sequence PL2bck1

<400> 56  
ccgtataagc ttttattttg taaataccac c 31

<210> 57  
<211> 37  
<212> DNA  
<213> primer sequence PL2bck2

<400> 57  
ccgtatgaat tcaagctttt attttgtaaa taccacc 37

<210> 58  
<211> 8  
<212> PRT  
<213> FLAG epitope

<400> 58

Met Asp Tyr Lys Asp Asp Asp Lys  
1 5

<210> 59  
<211> 53  
<212> DNA  
<213> primer RD 5' FLAG

<400> 59  
gcggatccca tatggactac aaagacgatg acgacaaaca ggtgcagctg cag 53

<210> 60  
 <211> 35  
 <212> DNA  
 <213> primer RD3'

<400> 60  
 gcgaattcgt ggtggtggtg gtggtgtgac tctcc

35

<210> 61  
 <211> 19  
 <212> DNA  
 <213> Artificial Sequence

<220>  
 <223> primer

<400> 61  
 ggaaacagct atgaccatg

19

e1  
 <210> 62  
 <211> 27  
 <212> DNA  
 <213> Artificial Sequence

<220>  
 <223> primer

<400> 62  
 ccataccta acgactcact atagggc

27

<210> 63  
 <211> 52  
 <212> DNA  
 <213> Artificial Sequence

<220>  
 <223> primer

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> 51  
 <223> n = A,T,C or G

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> 52  
 <223> n = A,T,C or G

<400> 63  
 ttctagaatt cagcggccgc tttttttttt tttttttttt tttttttttt nn

52

112408-122.ST25

<210> 64  
<211> 19  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> primer

<400> 64  
cggtttccct ctagaaata

19

el  
anal